

「MI²社会実装に向けた スクール機能の試行を振り返って」

Materials research by Information Integration

Mi2i 副PL 真鍋 明



背景

社会情勢

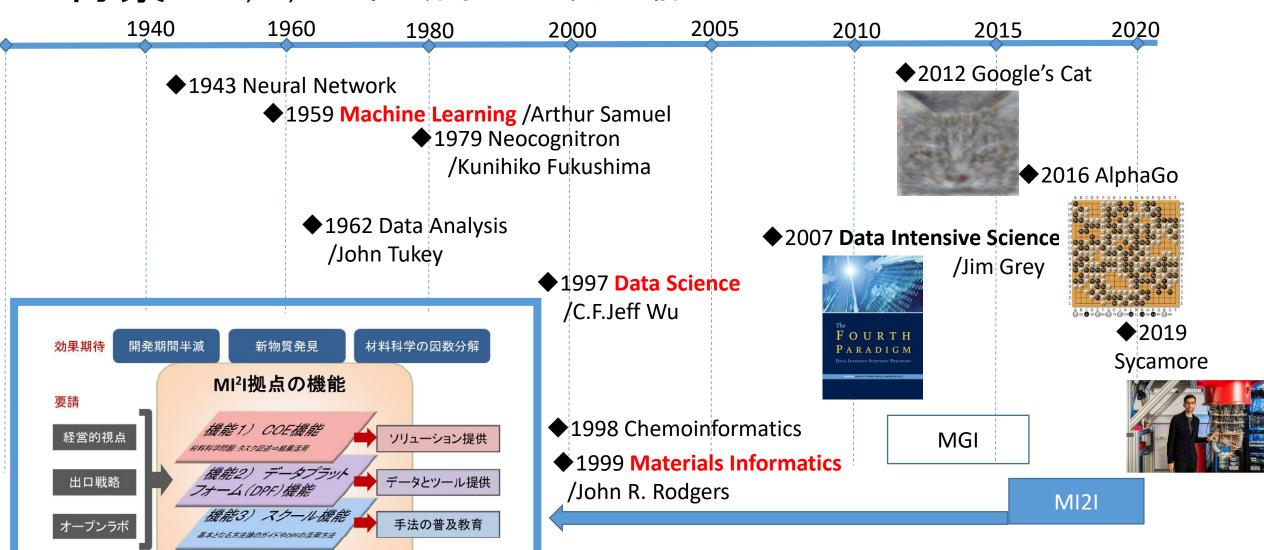
データ駆動科学

オープンサイエンス

システム of システムズ

ML,DS,MI その萌芽は20年以上前から





実質的な進展はここ10年

巨大データとIT

 Mi^2i

1940

1960

1980

2000

2005

2010

2015

2020

◆1943 Neural Network

◆1959 Machine Learning /Arthur Samuel

◆ 1979 Neocognitron

/Kunihika Fulushima

◆2012 Google's Cat

◆2016 AlphaGo

効果期待

開発期間半減

新物質発見

材料科学の因数分解

ソリューション提供

データとツール提供

手法の普及教育

MI²I拠点の機能

要請

経営的視点

出口戦略

オープンラボ

機能1) COE機能 材料科学問題: タスク記述 > 結果活用

機能2) データプラット フォーム(DPF)機能

機能3)スクール機能

基本となる方法論のガイドやのみの活用方法

社会情勢 データ駆動科学 オープンサイエンス

システム of システムズ

Pata Intensive Science

/Jim Grey



2019

Sycamore



MGI

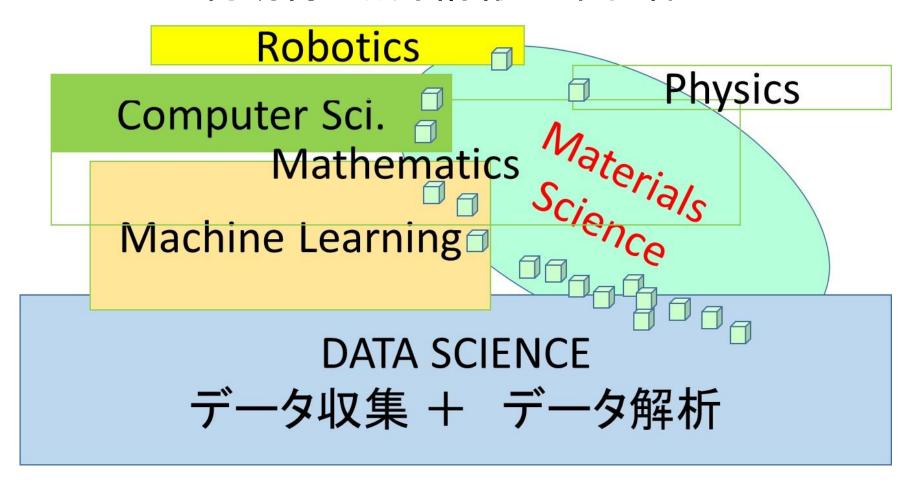
MI2I

Buzzword

Materials Informatics (Buzzword状態だった)

 Mi^2i

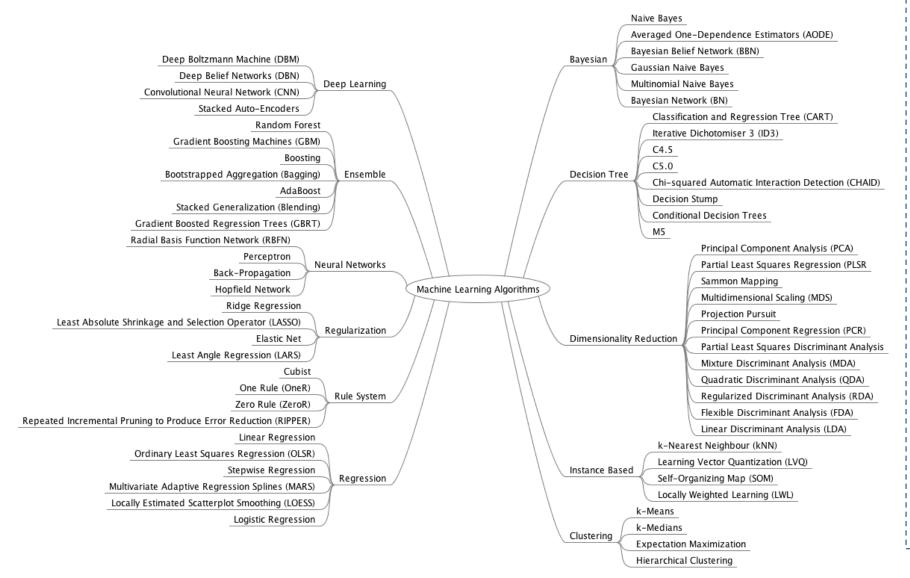
= 過剰期待・断片情報の集合体

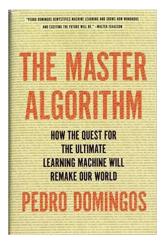


材料研究者にとって「データ収集+データ解析」は普通にやってきたこと。いままでと何が違うのか? => 機械学習ツールの敷居が著しく低くなった。



数限りないアルゴリズム 究極はいつ?





The Master Algorithm: How the Quest for the Ultimate Learning Machine Will Remake Our World Pedro Domingos
Basic Books(2015/9/22)

•アルゴリズムは5つ の派閥に分類できる。

・この5つを統合した 究極のアルゴリズム の可能性に言及



"SCHOOL" 実践スキルの獲得を目指して ~そのきっかけづくり (しかできません)

・チュートリアルセミナー(座学)

く様々な材料研究でのMI活用シーンを紹介>シリーズで全体像 講演映像はDVD教材化

・ハンズオンセミナー(講義+実習)

くとにかくMLツールを触ってみる>

基本コース: Python系のML基本ツール

実践コース:材料専用MLツール@各拠点

多くの方に参加・活用いただきありがとうございました。



詳細はハブ構築事業のノウハウレポートをご覧ください https://www.jst.go.jp/ihub/seika.html

					,
	概要	実施 回数	実施規模	備考	
Mi2I チュートリアルセミナー	MI2に関する座学	10	^{延べ} 1042名	教材DVD配布 DVD: 1629枚	
Mi2Iハンズオンセミナー 基本コース	Pythonコード習得 Orange Scikit-learn	15 回	^{延べ} 597名	ライブ配信 教材CD配布	
Mi2Iハンズオンセミナー 実践コース	プロジェクトで開発したコード習得 Nap, XenonPy, CrySPY, COMBO, HomCloud	11 回	^{延べ} 137名	コードは GitHubで公開	







これまでは、プロジェクトからの情報発信(一方向)

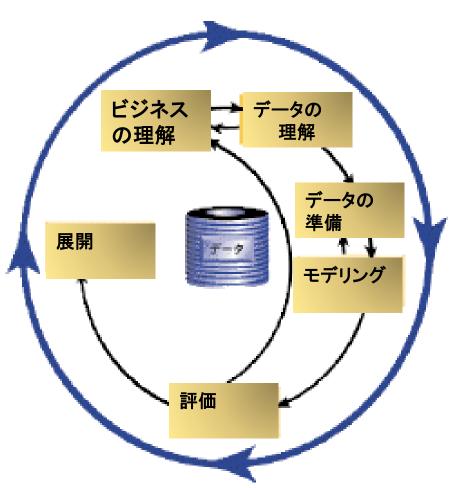
今後は各企業での実践ステージへ(個別解法の探求) Mi^2i

- ML活用場面は多種多様
- 1) 既存材料を凌駕する画期的な新材料発見
- 2)材料諸現象の理解深化
- 3) 開発効率化・自動化に向けた代理モデル活用
- MLタスクは研究業務フローの一部 「ビジネスの理解」が絶対条件

CRISP-DM (Cross-Industry Standard Process for Data Mining)

データからのパターン抽出のスタートは **「ビジネスの理解」**

各企業はそれぞれのビジネス(研究業務)を完全に把握している。 具体的展開法は、それぞれが完成させることとなります。

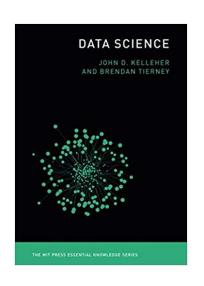


IBM SPSS Modeler CRISP-DM ガイドより引用

データ科学を活用して意味あるタスクを



"DATA SCIENCE" "データサイエンス" 日本語版もあり / MIT PRESS essential knowledge series



DATA SCIENCE
John D. Kelleher, Brendan Tierney
MIT PRESS essential knowledge series(2018/4/6)

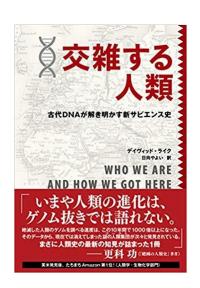
「専門家が容易にパターンを考え出せるなら、それを 見出すためにデータサイエンスで時間と手間をかける のは無駄なこと。」

要領よくデータサイエンスの基本がまとめられた本。

述べられていることは厳しい。
「本格的に取り組まないと失敗する」ということのようだ。

データ科学を活用して意味あるタスクを





"交雑する人類" / 日本語版 NHK出版

WHO WE ARE AND HOW WE GOT HERE

交雑する人類 ディヴィッド・ライク NHK出版(2018/7/25)

古代DNAデータで人類進化の歴史を語る 主成分分析とデンドログラム(樹形図)

→ 良質なデータがあれば従来手法でも「雄弁」

参考)

今年の日本国際賞受賞のペーボ先生のDNA解析 手法を高精度、ハイスループット化し数千体の古代 DNAデータベースにしたのが著者のライク先生ら





スパンテ・ペーボ 博士 (スウェーデン)

授賞対象分野「生命科学」分野

授賞業績

古代人ゲノム解読による古人類学への先駆的貢献

スパンテ・ペーポ博士

1965年4月20日生まれ(64歳)

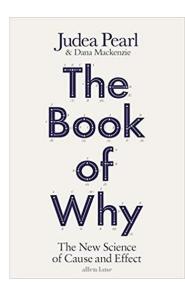
現生人類の祖先とネアンデルタール人は 交雑していた

ネアンデルタール人は、かつて存在していた人類で す。今から50万年ほど前にアフリカを出てヨーロッパ から中近東にかけて広く住んでいましたが、4万年ほど 前に絶滅しました。そのため現生人類とは無関係と考え られてきたネアンデルタール人ですが、博士が、発掘さ れたネアンデルタール人の骨のDNAを解析したところ、 そのDNAが現生人類に受け継がれていることがわかり が似ていれば増幅してしまいます。古代人DNAの扱い には細心の注意が必要なため、博士はDNA抽出法の確 立やクリーンルームの設置など新しい研究法を工夫しま 1 た

1997年、まずネアンデルタール人のミトコンドリア DNAの配列の一部を決定、その後、全配列を決めました。ミトコンドリアは、細胞内小器官の一つで、核とは 別の DNA をもっています。ミトコンドリア DNA は 16000 塩基対と短い上に、1個の細胞に数千個あって量を確保しやすかったため、当時の PCR 法と DNA 解析技術で配列を決めることができました。

データ科学を活用して意味あるタスクを





"The Book of Why"因果推論の新科学

The Book of Why The New Science of Cause and Effect
Judea Pearl and Dana Mackenzie

フィッシャーの実験計画法 ~1920 Allen Lane (2018/5/5) ランダム化比較試験やラテン方格の話題

→ 温故知新 (古典的)実験計画法は因果が得意

ACS Nano 2018, 12, 7434-7444



www.acsnano.org

How To Optimize Materials and Devices *via* Design of Experiments and Machine Learning: Demonstration Using Organic Photovoltaics

Bing Cao, †,‡© Lawrence A. Adutwum,*,†,\$,‡© Anton O. Oliynyk,†,‡© Erik J. Luber,†,‡© Brian C. Olsen,*,†,‡© Arthur Mar,*,†,‡© and Jillian M. Buriak*,†,‡©



- プロセスパラメータを含むので 新たな実験でデータを準備する
- •実験計画法(直交表)で効率よく
- ・応答曲面で最適解探索 (ここで最新のMLを使う)



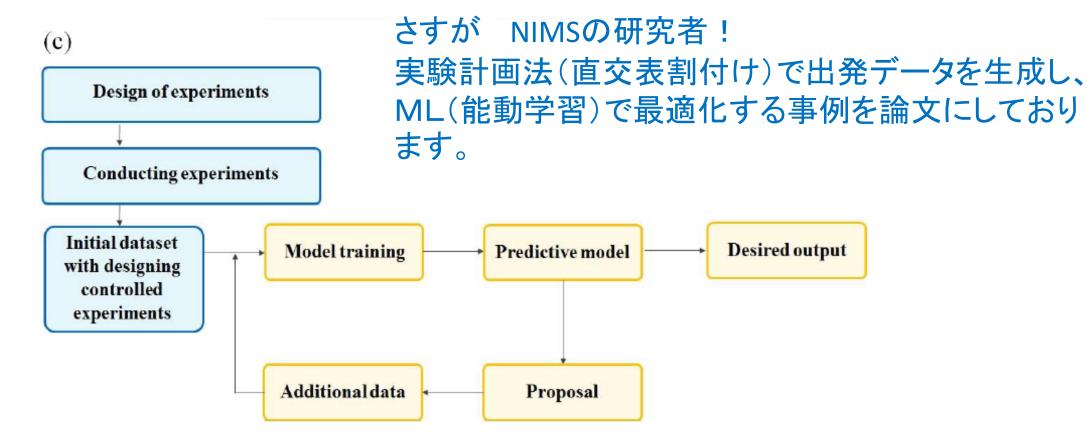






Prediction and optimization of epoxy adhesive strength from a small dataset through active learning

Sirawit Pruksawan^{a,b}, Guillaume Lambard^c, Sadaki Samitsu^a, Keitaro Sodeyama^c and Masanobu Naito^{a,b,d}





研究コミュニティは必要か?

1 AUG 2019 | VOL 572 | NATURE | 27

Three pitfalls to avoid in machine learning

As scientists from myriad fields rush to perform algorithmic analyses, Google's Patrick Riley calls for clear standards in research and reporting.

Google's Patrick Riley

ML誤用・乱用への警告

- 1. データ分割法不適切
- 2. 潜伏要因への配慮不足
- 3. 目的不明瞭
 (MLとしては正しいが目的は?)

提言として

機械学習の実行・まとめ方に関し、それぞれの専門分野で明確な基準をつくる必要がある。

ML誤用·乱用

- 1. ML基準・規範づくり
 - -論文~学会-協会
 - •商取引~各業界•工業会

2. 上記に関する教育・普及活動



研究コミュニティは必要か?

超えるべき共通課題

Chem. Mater. 2019, 31, 9579-95811 Citrine Informatics Bryce Meredig



Editorial

pubsacs.org/cm

Five High-Impact Research Areas in Machine Learning for Materials Science

1. 材料特有のML手法開発

small, noisy, multiscale, heterogeneous multidimensional dataset very large, high dimensional design spaces.

- 2. 外挿予測モデルの実験による検証
- 3. ハイスループットデータ取得 計算、自動ラボ、論文
- 4. 物理モデルとMLの統合
- 5. 科学者支援(可視化や計測インフォマ等)

左記課題の実施主体は?

アカデミア主導か? 産業主導か?

情報共有のための コミュニティの形成

課題はSTAGEで異なる

NIMSフォーラム 2015.10.9



				<u> </u>
	STAGE I 新物質創成 例)C ₆₀	STAGE II 物性極値化 Materials Genome	STAGE III 材料最適化 Integrated Compu	STAGE IV 適用研究開発 tational Materials Engineering
内容	従来の特性限界超 物質探索	結晶構造あり 元素置換 ドープ 極値を探す	材料化 プロセス・組織構造 の最適化	システム設計 試作実証 信頼性確保
ポイント	コンセプトひらめき 実験発見 Abduction	傾向予測と実験 Deduction Induction	実験検証 特性トレードオフ克服 Induction主体	Virtual Prototype シミュレーション Deduction
データ共有	Unknown OPEN 知識	OPEN 一部CLOSE 物質データベース	特性CLOSE/OPEN プロセスCLOSE	固有材料CLOSE 一般材料OPEN
MIの期待	逆問題 特性→構造予測	結晶構造•特性相関 QSPR	特性・組織相関プロセス・組織相関	短期間化 (時間、費用)
課題	方法論研究	事例研究 手法選択	組織構造データ化 データ形式統一 (メタデータ)	各種シミュレーション

SCHOOL (一方向) から

COMMUNITY (双方向の情報発信)のステージへ